

BIOINFORMATIQUE

CORRIGE TYPE

Partie 1 : encercler la mauvaise réponse et cadrer la bonne réponse (5pts)

- (a) La bioinformatique est constituée par l'ensemble des concepts non techniques (1pts)
- (b) La bioinformatique n'interprète que l'information génétique (séquences) seulement (1pts)
- (c) La bioinformatique ne permet pas de prédire le rôle et la fonction de cette structure (1pts)
- (d) les bases de données offrent un ensemble plutôt homogène d'informations (1pts)
- e La bioinformatique est le décryptage de la " bio-information (1pts)

Parte 2 mettre : généraliste nucléique ou protéique, spécialisée, motif devant les bases de données suivantes (5pts):

- Gene bank : généraliste nucléique (0,5pt)
- EMBL: généraliste nucléique (0,5pt)
- DDBJ: généraliste nucléique (0,5pt)
- PDB: généraliste protéique (0,5pt)
- PIR-NBRF: généraliste protéique (0,5pt)
- Uniprot: généraliste protéique (0,5pt)
- RESID Database: spécialisée (0,5pt)
- TFD : Motif: (0,5pt)
- TRANSFAC: Motif (0,5pt)
- PROSITE: Motif (0,5pt)

Parte 3 (10 pts): les informations ressorties de la fiche descriptive de EMBL

- **Identifiant** : X56734 (1pt)
- **la forme de l'ADN**: linear(1pt)
- **le type et la longueur de la séquence** : type mRNA ; longueur 1859 BP (1pt)
- **Numéro d'accèsion** : X56734; S46826 (1pt)
- **Date de révision** : 25-NOV-2005(1pt)
- **Description** : Trifolium repens mRNA for non-cyanogenic beta-glucosidase (1pt)
- **Mots clés** : beta-glucosidase (1pt)
- **L'espèce** : Trifolium repens (1pt)
- **référence titre** : "Nucleotide and derived amino acid sequence of the cyanogenic beta-glucosidase (linamarase) from white clover (Trifolium repens L.)" (1pt)
- **journal de la publication** : Plant Mol. Biol. 17(2):209-219(1991) (1pt)